



VENDREDI 16 JUN 2017 | MUSEUM NATIONAL D'HISTOIRE NATURELLE

36 rue Geoffroy-Saint-Hilaire, 75005 Paris
Auditorium de la Grande Galerie d'Evolution

<http://rug.mnhn.fr/semin-r/>

<http://www.mnhn.fr/fr/visitez/lieux/grande-galerie-evolution>

10:00 - 10:15 Accueil

LANGAGE

10:15 - 10:35 **TRAN Bastien**
LAREQUOI Université de Versailles Saint-Quentin-en-Yvelines, Guyancourt
Manipuler ses dataframes avec 'dplyr' et présentation de l'opérateur '%>%'

STATISTIQUES

10:35 - 10:55 **KIENER Patrice**
InModelia, Paris
Modélisation des distributions à queues épaisses avec le package FatTailsR

10:55 - 11:15 **VIBET Marie-Anne**
Laboratoire de Mathématiques Jean Leray Université de Nantes, Nantes
Modélisation bayésienne d'une chronologie d'évènements archéologiques et analyse des chaînes de Markov à l'aide du package 'ArchaeoPhases'

11:15 - 11:35 **LANGRONET Florent**
Laboratoire de Mathématiques de Besançon
Classification des données avec Rmixmod

11:35 - 11:50 Pause café

APPLICATIONS

11:50 - 12:10 **BRUN François**
ACTA - RMT modélisation & analyse de données, Paris
Valorisation des données d'épidémiologie-surveillance du domaine agricole et création d'outils pour les acteurs régionaux du Bulletin de santé du végétal

12:10 - 12:25 **SCHMITT Eglantine**
Université de Technologie de Compiègne, Compiègne
Une application Shiny pour la cartographie bibliométrique de domaine scientifique

12:25 - 12:40 **BRIATTE, François & GALLIC Ewen**
European School of Political Science (ESPOL), Lille
Reconstituer l'espace partisan français à partir de Twitter

12:40 - 13:00 **LEVI-VALENSIN Michael**
DRAAF Grand Est- Châlons en Champagne, Châlons-en-Champagne
Faire des portraits de territoires avec Shiny, c'est facile !

BIGDATA

- 14:00 - 15:00 **MIELE Vincent**
UMR CNRS 5558 - Laboratoire Biometrie et Biologie Evolutive, Lyon
Le calcul parallèle pour non-spécialistes, c'est maintenant!
- 15:00 - 15:20 **GOMBIN Joël**
dataactivist
Gérer des (assez) gros jeux de données avec R : le package monetdblite
- 15:20 - 15:40 **DANDINE-ROULLAND Claire**
UMR7206 - Equipe de génétique des populations humaines,
Musée de l'Homme, Paris
Gaston, un package R pour les données de génome entier

15:40 - 16:00 Pause café

CARTOGRAPHIE / DONNEES SPATIALES

- 16:00 - 16:20 **GUILLAUMOT Charlène**
Laboratoire de Biologie Marine CP160/15,
Université Libre de Bruxelles, Bruxelles
SDMPlay : Species Distribution Modelling Playground
- 16:20 - 16:40 **SEMECURBE François**
Insee Pôle Analyse urbaine, Paris
Présentation du package de lissage spatial btb
- 16:40 - 17:05 **GIRAUD Timothée**
UMS RIATE (CNRS), Université Paris Diderot, Paris
Cartographie avec R, le package cartography

EXTRA !

- 17:05 - 17:30 **LEVINE Thomas**
Au-delà des camemberts: comment transformer des données en vidéo, son, et nourriture



**Journée organisée avec le soutien de la Plateau de Morphométrie de l'UMS 2700
Outils et Méthodes de la Systématique Intégrative (OMSI),
<http://www.ums2700.mnhn.fr/>**